

Cell	Lo Res/DQA1 - 1	Lo Res/DQA1 - 2	Lo Res/DPA1 - 1	Lo Res/DPA1 - 2	Lo Res/DPB1 - 1
532	NT	NT	NT	NT	01
532	01	04	NT	NT	NT
532	01	04	02	04	01
532	01	04	02	04	01
532	01	04	NT	NT	NT
532	01	04	02	04	01
532	01	04	02	04	01
532	01	04	02	04	01
532	01	04	NT	NT	NT
532	01	04	02	04	01
533	NT	NT	NT	NT	401
533	01	05	NT	NT	NT
533	01	05	01	02	04
533	01	05	01	02	04
533	01	05	01	02	04
533	01	05	NT	NT	NT
533	01	05	01	02	04
533	01	05	NT	NT	04
533	01	05	01	02	04
533	01	05	NT	NT	NT
533	01	05	01	02	04
534	NT	NT	NT	NT	402
534	01	BL	NT	NT	NT
534	01	BL	01	02	04
534	01	BL	01	02	10
534	01	BL	01	02	04
534	01	BL	NT	NT	NT
534	01	BL	01	02	04
534	01	BL	NT	NT	04
534	01	BL	01	02	04
534	01	BL	NT	NT	NT
534	01	BL	01	02	04
535	05	BL	01	BL	02
535	05	BL	NT	NT	NT
535	05	BL	01	BL	02
535	05	BL	01	BL	02
535	05	BL	01	BL	02
535	05	BL	NT	NT	NT
535	05	BL	01	BL	02
535	05	BL	01	BL	02
535	NT	NT	01	BL	02
535	05	BL	NT	NT	NT

Lo Res/DPB1 - 2
105
NT
105
105
NT
105
105
105
NT
105
13
NT
13
13
13
NT
13
13
13
NT
13
10
NT
10
04
10
NT
10
10
10
NT
10
3/104
NT
03
03
03
NT
03
03
03
NT

Cell	Lo Res/DQA1 - 1	Lo Res/DQA1 - 2	Lo Res/DPA1 - 1	Lo Res/DPA1 - 2	Lo Res/DPB1 - 1
535	05	BL	01	BL	02
536	01	03	01	02	02
536	01	03	NT	NT	NT
536	01	03	01	02	02
536	NT	NT	01	02	NT
536	01	03	01	02	02
536	01	03	NT	NT	NT
536	01	03	01	02	02
536	01	03	01	02	02
536	NT	NT	01	02	02
536	01	03	NT	NT	NT
536	01	03	01	02	02

Lo Res/DPB1 - 2
03
BL
NT
BL
NT
02
NT
02
02
02
NT
BL