

Cell	Lo Res/DQA1 - 1	Lo Res/DQA1 - 2	Lo Res/DPA1 - 1	Lo Res/DPA1 - 2	Lo Res/DPB1 - 1
547	01	03	01	02	02
547	NT	NT	NT	NT	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	NT	NT	02
547	01	03	01	02	02
547	01	03	NT	NT	NT
547	01	03	01	02	02
547	01	03	01	02	02
548	01	03	01	03	02
548	NT	NT	NT	NT	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	01	BL	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	NT	NT	02
548	01	03	01	03	02
548	01	03	NT	NT	NT
548	01	03	01	03	02
548	01	03	01	03	02
549	01	05	01	BL	04
549	NT	NT	NT	NT	0401
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	01	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	NT	NT	NT
549	01	05	01	BL	04
549	01	05	01	BL	04
550	05	BL	01	BL	02
550	NT	NT	NT	NT	02
550	05	BL	01	BL	02

Lo Res/DPB1 - 2
13
13
13
13
13
13
13
13
13
13
13
NT
13
13
BL
105
105
04
04
04
105
105
BL
105
NT
BL
105
BL
BL
BL
126
BL
BL
BL
04
BL
BL
NT
BL
BL
BL
BL
BL

Cell	Lo Res/DQA1 - 1	Lo Res/DQA1 - 2	Lo Res/DPA1 - 1	Lo Res/DPA1 - 2	Lo Res/DPB1 - 1
550	05	BL	01	BL	02
550	05	BL	01	BL	02
550	05	BL	01	BL	02
550	05	BL	01	BL	02
550	05	05	01	01	02
550	05	BL	01	BL	02
550	05	BL	01	BL	02
550	05	BL	NT	NT	NT
550	05	BL	01	01	02
550	05	BL	01	BL	02
551	01	02	01	BL	04
551	NT	NT	NT	NT	0401
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	01	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	BL	04
551	01	02	01	01	04
551	01	02	01	BL	04

Lo Res/DPB1 - 2
BL
BL
BL
BL
02
BL
BL
NT
BL
32
BL
BL
BL
126
BL
BL
BL
04
BL
BL
BL
BL